

Łódź dn. 15.04.2026r
Nr sprawy: ZDL / 23 / 2026

Dotyczy: dostawy testów diagnostycznych do oznaczania mutacji i rearanżacji w klinicznie istotnych genach związanych z patogenezą nowotworów oraz materiałów referencyjnych do oznaczeń MSI i NGS dla Pracowni Diagnostyki Molekularnej Wojewódzkiego Wielospecjalistycznego Centrum Onkologii i Traumatologii im. M. Kopernika w Łodzi.

Zamawiający modyfikuje opis przedmiotu zamówienia w załączniku nr 2 (formularz asortymentowo-cenowy). Zmodyfikowany załącznik w załączeniu (zmiana została oznaczona na czerwono).

Załączniki:

Załącznik nr 2. - Formularz asortymentowo-cenowy

KIEROWNIK
Pracownia Diagnostyki Molekularnej
dr n. med. Iwona Solarska
specjalista laboratoryjnej genetyki medycznej

KIEROWNIK
Pracownia Diagnostyki Molekularnej
dr n. med. Iwona Solarska
specjalista laboratoryjnej genetyki medycznej

Wz
11842 mgr **JOANNA KAMINSKA**
DIAGNOSTA LABORATORYJNY
specjalista laboratoryjnej
genetyki medycznej

ZASTĘPCA DYREKTORA
ds. Lecznictwa

dr n. med. Jerzy Badowski

.....
Podpis właściwego Zastępcy Dyrektora

Pakiet	Opis asortymentu	Jm.	Ilość na 12 m-cy	Cena jednostkowa netto PLN	Wartość netto w PLN	VAT [%]	Wartość brutto w PLN	Producent	Nazwa handlowa	Nr katalogowy	Klasa wyrobu medycznego	UWAGI	
1.	2.	3.	4.	5.	6.	7.	8.	9.	10.	11.	12.	13.	14.
1	1 TRUPCR zestaw do oznaczania mutacji MYD88 L265P	op.	4										
	Zestaw odczytników do oznaczania mutacji c.794T>C w genie MYD88 metoda ARMS PCR Materiałem do oznaczania może być DNA pochodzący z kamki (słabiej), mozojczy lub FPPEL, komórek szpiku kostnego lub krwi obwodowej Zestaw zawiera fluorescencyjne znakowane primery wykrywające zmieniowany wariant na kamke FAM1 warianti drifit na kamke VICHEX Czładek zestawu na poziomie 0,5% mutacji MYD88 L265P Zestaw na 18 oznaczeń Przebiegowywarunek: 20°C												
2.	2. TRUPCR zestaw do oznaczania mutacji CXCR4 S38X	op.	3										
	Zestaw odczytników do oznaczania mutacji c.1013C>G i c.1013C>A w genie CXCR4 metoda ARMS PCR Materiałem do oznaczania może być DNA pochodzący z kamki FPPEL, komórek szpiku kostnego lub krwi obwodowej Zestaw zawiera fluorescencyjne znakowane primery FAM, HEX i TEXAS RED, umożliwiające rozróżnienie obu wariantów zmieniowanych Czładek zestawu na poziomie 0,5% obu wariantów mutacji Zestaw na 18 oznaczeń Przebiegowywarunek: 20°C												
3.	3. GenMark zestaw do oznaczania mutacji fosylnych genów FIP1L1::PDGFR	op.	3										
	Zestaw umożliwia oznaczanie mutacji fosylnych w wirusach: FLT3T, genów zgrupowanych w region 12, FIP1L1 w region 10/PPGFR w region 12, FIP1L1 w region 11/PPGFR w region 12, FIP1L1 w region 12/PPGFR w region 12, FIP1L1 w region 13/PPGFR w region 12 oraz genu referencyjnego ABL1 metoda ... Materiałem do oznaczania może być RNA pochodzący z komórek szpiku kostnego lub krwi obwodowej Czładek testu na poziomie umożliwiającym oznaczenie chorodny rozkładowej (MIRD) - LOG (10 ⁻⁴) Zestaw na 24 oznaczeń Zestaw zwiadowany na sprzeczki QuantStudio Q5 i Realor Gene Q												
4.	4. GenMark zestaw do oznaczania mutacji fosylnych genów BCR::ABL1 p230	op.	1										
	Zestaw odczytników do oznaczania mutacji fosylnych BCR::ABL1 c.192T>I genu referencyjnego ABL1 metoda multiplex qPCR Materiałem do oznaczania może być RNA pochodzący z komórek szpiku kostnego lub krwi obwodowej Czładek testu na poziomie umożliwiającym oznaczenie chorodny rozkładowej (MIRD) - LOG (10 ⁻⁴) Zestaw na 18 oznaczeń Zestaw zwiadowany na sprzeczki QuantStudio Q5 i Realor Gene Q												
5.	5. GenMark zestaw do oznaczania wykrywania mutacji zakodowanych w genach BRCAl 12	op.	2										
	Zestaw odczytników do wykrywania i rozróżniania mutacji zakodowanych w genie BRCAl: 4158delA, 185delG, 2080delA, 300 T>C (C>G/C), 5382insC, 3819delG/TAAA, 3875delG/TCT oraz w genie BRCAl 617delT metoda multiplex real-time PCR Materiałem do oznaczania może być DNA pochodzący z krwi obwodowej lub / wymazu z pochłaska												

	Zestaw umożliwia określenie statusu mutacji - heterozygoty czynnika genetyczna lub (typ drabki																			
	Zestaw zawiera 8 oddzielnych próbek - nie próbek w jednej probówce - Zestaw zawiera 8 oddzielnych próbek ze zdyfuzowanymi niesczekanami PPM (od 4s PPM 1 do 4s PPM 8), z których każda jest przeznaczona do wykrywania konkretnej mutacji w genach BRCA1 lub BRCA2																			
	Zestaw na 50 oznaczeń																			
	Zestaw zwalidowany na sprzęcie QuantStudio Q5 iRotor Gene Q																			
6.	Serwisy MSI panel referencyjny MIX AFS%	op.	1																	
	Materiał referencyjny do badania niestabilności mikrosatelitarnej zawierający biomarkery jedno- i dwunukleotydowe analizowane w testach MSI z panelem Bethesda- NR-21, NR-24, BAT-25, BAT-26 i MONO-27 na poziomie 30% czystości alikwantu																			
	Odzieżnik zawiera stabilne mikrosatelitarne luki DNA genomowe GM238S służące jako ilo																			
	Do użytku w oznaczeniu MSI z użyciem metody ddPCR i NGS																			
	Opakowanie zawiera 2 próbki po 15 µl																			
7.	Serwisy MSI panel referencyjny MIX AFS30%	op.	1																	
	Materiał referencyjny do badania niestabilności mikrosatelitarnej zawierający biomarkery jedno- i dwunukleotydowe analizowane w testach MSI z panelem Bethesda- NR-21, NR-24, BAT-25, BAT-26 i MONO-27 na poziomie 30% czystości alikwantu																			
	Odzieżnik zawiera stabilne mikrosatelitarne luki DNA genomowe GM238S służące jako ilo																			
	Do użytku w oznaczeniu MSI z użyciem metody ddPCR i NGS																			
	Opakowanie zawiera 2 próbki po 15 µl																			
8.	Serwisy MR DNA mikrobiolity	op.	1																	
	Materiał referencyjny do badania NGS w kierunku oszczędności przyrodnych badawców związanych z mutacjami w 16 genach o istotnym znaczeniu klinicznym na poziomie 5, 10 lub 15% czystości alikwantu w zależności od rodzaju mutacji																			
	Odzieżnik zawiera luki DNA genomowe GM238S służące jako ilo (typ drabki)																			
	Opakowanie zawiera 1 próbkę o pojemności 25 µl																			
	Suma																			

Suma 0,00 zł